



臨床ゲノム解析を支援する

臨床・創薬研究者のためのビッグデータプラットフォーム

BaseSpace Cohort Analyzer

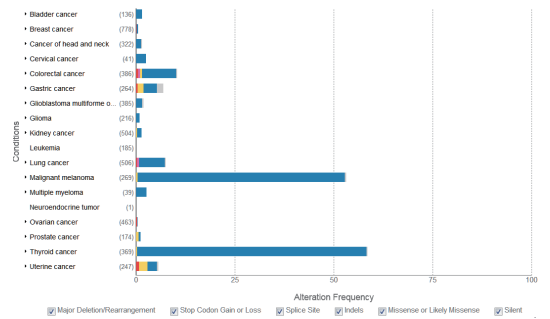
## Clinical Attributes & Therapies Summary



### Cohort Analyzerの概要

HIPAAコンプライアンスに基づき利用できる大量の臨床ゲノム情報 (Electrical Medical Record (EMR) + OMICSデータ) と情報を解析するために必要な最新の解析ツールがセットになったプラットフォームです。特に各種のOMICS解析データはEMRの情報と組み合わせることで新たな知見を引き出す重要な材料となります。

BRAF Marker Distribution in All Samples from Each Condition



Basic Patient Finder

Advanced Finder

All patients

CONDITION PROJECTS CLINICAL MOLECULAR

Select Data and Filter Types

BRAF [Remove](#)

Gene Model Filter: RefSeq

Somatic mutation (103)  
 RNA expression (102)  
 Copy number variation (103)  
 DNA methylation (0)  
 Protein expression (0)  
 miRNA expression (0)

ADD BIOMARKER

Gene Model Filter: Mutant Polyphen: All Sift: All

Wild type + Silent  
 Specific codon present V600E  
 Specific codon absent  
 Advanced  
 Intergenic  
 Upstream  
 Downstream  
 Intron  
 5' UTR

103 of 386 patients will be shown after filter applied

103 386

Selected Filters [Clear All](#)

Condition  
 Malignant melanoma

Project  
 No Project

Clinical Filter [Clear Clinical](#)

### サンプルのフィルタリングと組み合わせ

患者グループは各種フィルターを用い、臨床属性やOMICS解析の分子レベルの条件で任意に作成することができます。選んだ集団について特異的な発現変動や突然変異について詳しく解析し、バイオマーカーの分析や遺伝子の摂動などから疾患原因を探り出します。

Basic Patient Finder

Advanced Finder

All patients

CONDITION PROJECTS CLINICAL MOLECULAR

PATIENT ATTRIBUTES THERAPIES

97 of 386 patients will be shown after filter applied

97 322 386

Selected Filters [Clear All](#)

Condition  
 Malignant melanoma

Project  
 No Project

Procedures  
 Surgery (158)  
 Procedure indication (158)  
 Method of sample procurement (322)

Medications/Radiotherapy  
 Rogimen (322)  
 Radiotherapy (322)  
 Radiation treatment site (54)  
 Therapy ongoing (radiation) (54)  
 Pharmaceutical therapy (52)  
 Immunotherapy (20)

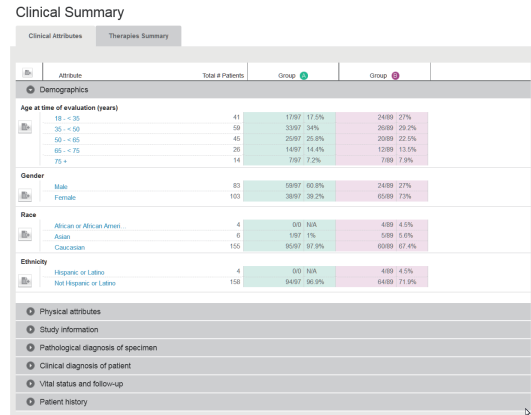
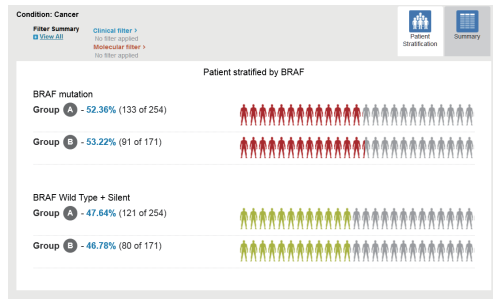
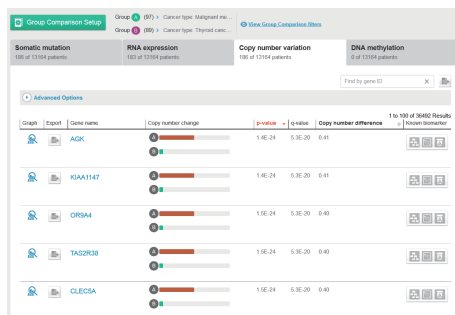
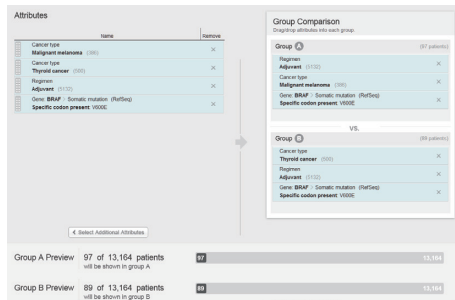
Adjuvant (322)  
 Progression (9)  
 Recurrence (8)  
 Not specified (30)  
 New tumor event (141)

### OMICSデータの解析

分子レベルの解析は突然変異の解析やDNAメチレーション解析など様々なOMICSデータを利用しておこないます。候補となった遺伝子については、他の遺伝子についての摂動を調べたり、全ての疾患サンプルと比較して特異性の有意を確認することができます。

## サンプルのグループ比較

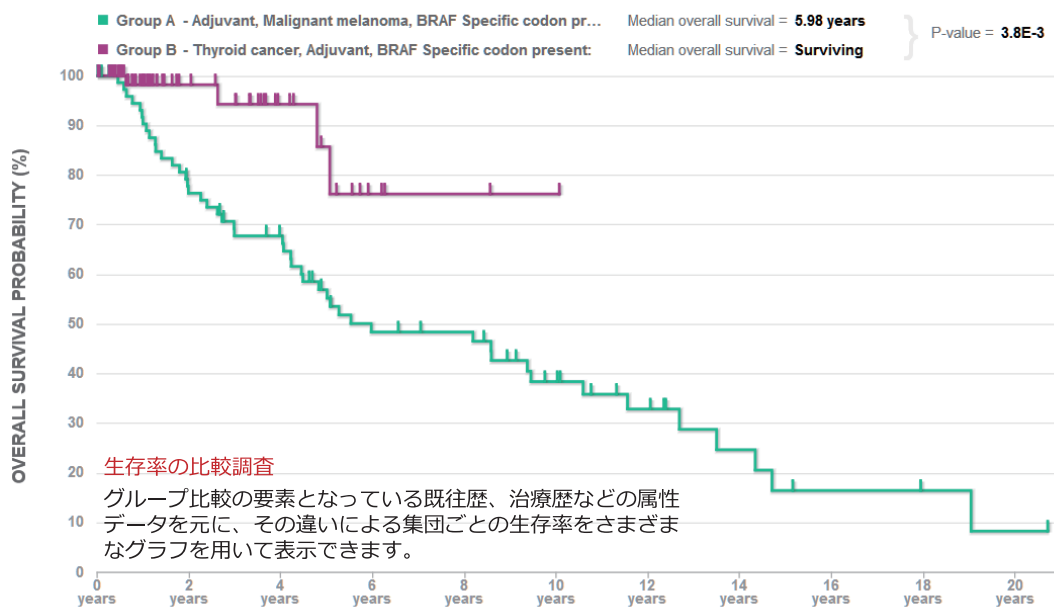
各種のフィルターを利用して個人またはグループの比較解析をおこなうことができます。グループを作成するフィルターには、EMRに使われる各種の臨床属性や治療履歴に関する多くの項目が利用できます。さらに遺伝子の発現・変異・多型・修飾などの項目を追加して疾患ごとの特徴を詳しく調べ上げることが可能になります。



## バイオマーカー解析

集団比較により遺伝子の発現変動、突然変異、コピー数やメチレーションなどの違いから有意バイオマーカーを考察することができます。

## Kaplan-Meier survival curve



### 生存率の比較調査

グループ比較の要素となっている既往歴、治療歴などの属性データを元に、その違いによる集団ごとの生存率をさまざまなグラフを用いて表示できます。

	0 years	2 years	4 years	6 years	8 years	10 years	12 years	14 years	16 years	18 years	20 years
Group A	78	54	44	28	26	17	11	6	3	2	1
Group B	74	27	13	4	2	1	0	0	0	0	0

illumina



セレスバイオサイエンス株式会社

〒336-0022 埼玉県さいたま市南区白幡3-6-7-203  
 TEL 048-789-6561 / FAX 048-789-6562  
 e-mail : sales@ceresbio.co.jp  
 HP : http://www.ceresbio.co.jp/