



臨床ゲノム解析を支援する

臨床・創薬研究者のためのビッグデータプラットフォーム

BaseSpace Cohort Analyzer

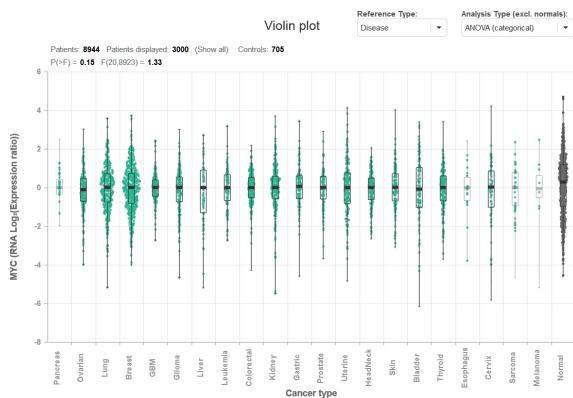
Various Inspection about Patient Data

Molecular Data Analysis

Cohort Analyzerには、高度にキュレーションされたTCGAやGSAのEMR情報とOMICSデータを組み合わせて検証できる各種解析ツールがそろっています。

Referenceデータの選択

たとえば、膨大なサンプルから各癌種における特定遺伝子の発現特性を同時に解析する場合、コントロールとして健常者と癌サンプル全体平均のいずれかを選択して解析することが可能です。

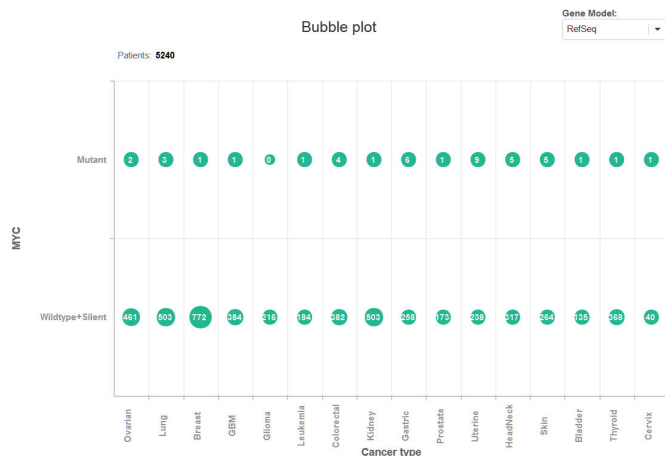


OMICSデータの精度解析

サンプル内での発現変動のばらつきも複数の癌種に関して同時に確認することが可能です。

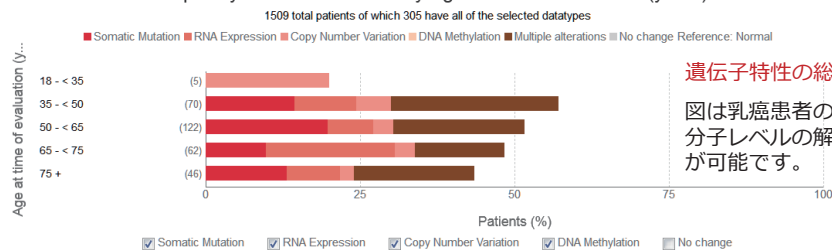
異種のOMICS解析手法でサンプルを検

種類の異なる実験手法のデータを組み合わせて遺伝子特性を簡単に検証することができます。



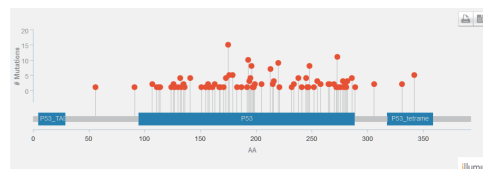
Enter a clinical attribute: Enter a gene:

Frequency of TP53 Alteration by Age at time of evaluation (years)



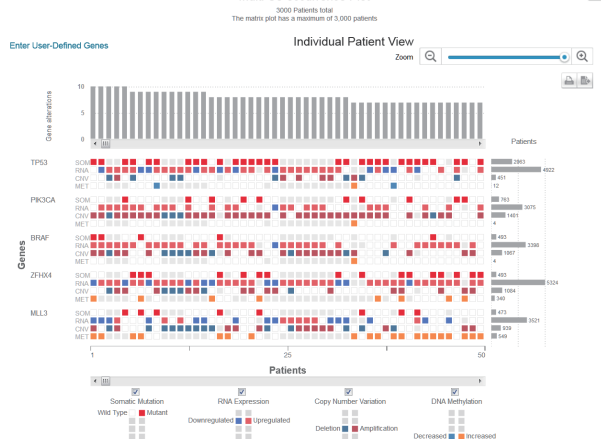
遺伝子特性の総合検証

図は乳癌患者の年齢と遺伝子レベルの特性分布を示しています。分子レベルの解析はさまざまな臨床属性と組み合わせて行うことが可能です。



AA Change	Mutation Class	# Altered
ES6	Gain of stop codon	1
W91	Gain of stop codon	1
Y107C	Missense	1
Y107D	Missense	1
L119P	Missense	1
F113C	Missense	1
L114	Gain of stop codon	1
C124	Gain of stop codon	1
Y128C	Missense	1

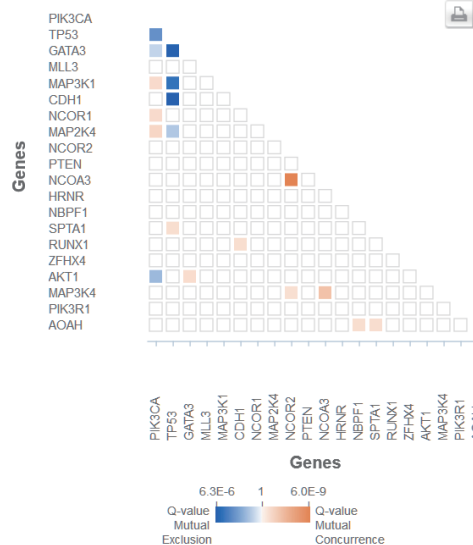
Multi Co-occurrence Plot



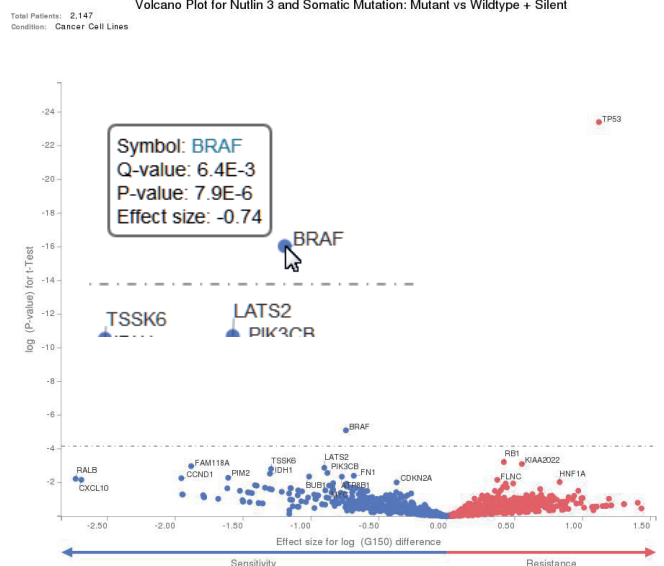
サンプルのグルーピング検証と個別検証

遺伝子レベルの特性はグループとして、また患者サンプルごとにも簡単に確認することが可能です。サンプル全体から各個人レベルまでその特性の解析を迅速に行うことができます。

Gene Pair View



Volcano Plot for Nutlin 3 and Somatic Mutation: Mutant vs Wildtype + Silent



遺伝子間の相関性検証

着目した遺伝子については、他の遺伝子との関連性も簡単に確認することができます。

薬剤耐性検証

Cohort Analyzerには多くの薬剤耐性サンプルCell Lineが含まれています。このデータを利用して薬剤耐性に関する遺伝子を解析することができます。



セレスバイオサイエンス株式会社

〒336-0022 埼玉県さいたま市南区白幡3-6-7-203

TEL 048-789-6561 / FAX 048-789-6562

e-mail : sales@ceresbio.co.jp

HP : <http://www.ceresbio.co.jp/>